

РУКОВОДСТВО ПОЛЬЗОВАТЕЛЯ

ПРОГРАММНОГО ОБЕСПЕЧЕНИЯ

«АБиоГрам.Геном»
(«ABioGram.WGS»)

Оглавление

1. Общие сведения.....3
2. Подготовка к работе.....3
3. Основные разделы программы 3
4. Порядок работы.....4
5. Функциональные возможности 4
6. Действия при возникновении ошибок 4

1. Общие сведения

«АБиоГрам.Геном» («ABioGram.WGS») предназначен для хранения, систематизации и анализа геномных последовательностей микроорганизмов в формате FASTA. Программа позволяет сопоставлять последовательности с выбранными базами данных и выполнять мультилокусное типирование (MLST).

Результаты исследований представлены в виде таблиц и графических материалов. Их можно просматривать, отбирать по заданным условиям и выгружать для дальнейшей работы.

Программа предназначена для специалистов микробиологических лабораторий и исследовательских организаций. Для работы необходимы навыки использования браузера и общее представление о данных секвенирования.

2. Подготовка к работе

Программа доступна через веб-браузер. Адрес рабочего экземпляра и данные для входа предоставляет администратор. Установка приложения на компьютер пользователя не требуется.

Для начала работы откройте сайт программы и выполните вход. Состав доступных разделов зависит от прав учётной записи. Для работы без регистрации предусмотрена отдельная форма обработки файлов с использованием общедоступных баз данных.

3. Основные разделы программы

- «FASTA-файлы» – загрузка последовательностей, сведения об образцах и просмотр результатов анализа.
- «FASTA-базы» – работа с доступными базами для поиска совпадений.
- «MLST-базы» – выбор баз для мультилокусного типирования.
- «Аналитика» – поиск, отбор и обобщённое представление результатов.

4. Порядок работы

1. Загрузите файл с последовательностями в формате FASTA.
2. При необходимости заполните сведения об исследуемом образце.
3. Выберите доступную базу данных и вид анализа: аннотирование или MLST-типирование.
4. Запустите обработку и дождитесь завершения задания.
5. Просмотрите результаты в карточке файла. При необходимости сохраните таблицы или графические материалы.

При анонимной обработке результат открывается по индивидуальной ссылке. Сохраните её до завершения сеанса и не передавайте посторонним лицам.

5. Функциональные возможности

- Хранение FASTA-файлов и сведений об образцах.
- Поиск сходных последовательностей в выбранных референсных базах.
- Определение аллельных профилей и типов последовательностей в рамках выбранных схем MLST.
- Просмотр, ручная проверка и сопоставление результатов анализа.
- Фильтрация данных, формирование таблиц и графиков, экспорт результатов.

6. Действия при возникновении ошибок

Если файл не загружается, проверьте его формат и повторите попытку. Если результат анализа не появился, убедитесь, что задание завершено, и обновите страницу. Перед повторным запуском проверьте, не создано ли уже такое задание.

При ошибках входа, отсутствии доступа к нужному разделу или повторяющихся сбоях обратитесь к администратору. Сообщите, какое действие выполнялось, и приложите текст ошибки, если он доступен.

По вопросам эксплуатации программы можно обратиться в техническую поддержку: support@abiogram.ru.